

訂正版

(19) 世界知的所有権機関
国際事務局



(43) 国際公開日
2005年9月1日 (01.09.2005)

PCT

(10) 国際公開番号
WO 2005/080565 A1

(51) 国際特許分類⁷: C12N 15/09, C12M 1/00, 1/34,
C12Q 1/68, G01N 33/53, 33/566, 37/00

(21) 国際出願番号: PCT/JP2005/002490

(22) 国際出願日: 2005年2月17日 (17.02.2005)

(25) 国際出願の言語: 日本語

(26) 国際公開の言語: 日本語

(30) 優先権データ:
特願2004-044759 2004年2月20日 (20.02.2004) JP

(71) 出願人 (米国を除く全ての指定国について): 独立行政法人科学技術振興機構 (JAPAN SCIENCE AND TECHNOLOGY AGENCY) [JP/JP]; 〒3320012 埼玉県川口市本町4丁目1番8号 Saitama (JP). 財団法人東京都高齢者研究・福祉振興財団 (TOKYO METROPOLITAN FOUNDATION FOR RESEARCH ON AGING AND PROMOTION OF HUMAN WELFARE) [JP/JP]; 〒1730015 東京都板橋区栄町3番2号 Tokyo (JP).

(72) 発明者; および

(75) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 山川 直美 (YAMAKAWA, Naomi) [JP/JP]; 〒1730015 東京都板橋区栄町3番2号 財団法人東京都高齢者研究・福祉振興財団 東京都老人総合研究所内 Tokyo (JP).

(74) 代理人: 森田 憲一 (MORITA, Kenichi); 〒1730004 東京都板橋区板橋二丁目6番8号 板橋中央ビル5階 Tokyo (JP).

(81) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の国内保護が可能): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NA, NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.

(84) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の広域保護が可能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ユーロッパ (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, MC, NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

添付公開書類:

- 国際調査報告書
- 電子形式により別個に公開された明細書の配列表部分、請求に基づき国際事務局から入手可能

(48) この訂正版の公開日: 2006年1月26日

(15) 訂正情報:
PCTガゼットセクションIIのNo.04/2006 (2006年1月26日)を参照

2文字コード及び他の略語については、定期発行される各PCTガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語のガイダンスノート」を参照。

(54) Title: DNA ARRAY FOR ANALYZING DNA METHYLATION, METHOD OF CONSTRUCTING THE SAME AND METHOD OF ANALYZING DNA METHYLATION

(54) 発明の名称: DNAメチル化分析用DNAアレイ及びその製造方法並びにDNAメチル化分析方法

(57) Abstract: A method of constructing a DNA array for analyzing DNA modification (for example, methylation) comprising: (1) the step of preparing a DNA fragment mixture in which a modified base (for example, methylated cytosine) or a base (for example, cytosine) is exposed; (2) the step of contacting the DNA fragment mixture with an antibody against a modified base (for example, methylated cytosine) or an antibody against a base (for example, cytosine) and separating the mixture into a group consisting of immunocomplex-forming DNA fragments and another group consisting of unreacted DNA fragments, or a group consisting of DNA fragments showing high affinity for the antibody and another group consisting of DNA fragments showing low affinity for the antibody; (3) the step of identifying all or part of DNA fragments involved in each of the DNA fragment groups as described above; and (4) the step of providing nucleic acids hybridizable respectively with the thus identified DNA fragments on a substrate.

(57) 要約: (1) 修飾塩基 (例えば、メチル化シトシン) 又は塩基 (例えば、シトシン) が露出しているDNA断片混合物を調製する工程、(2) 前記DNA断片混合物を、抗修飾塩基 (例えば、メチル化シトシン) 抗体又は抗塩基 (例えば、シトシン) 抗体と接触させ、免疫複合体形成DNA断片群と未反応DNA断片群とに分離するか、あるいは、前記抗体に対して高親和性を示すDNA断片群と、前記抗体に対して低親和性を示すDNA断片群とに分離する工程、(3) 前記の各DNA断片群に含まれるDNA断片の全部又は一部を同定する工程、及び(4) 同定DNA断片とそれぞれハイブリダイズ可能な核酸を基板上に配置する工程を含む、DNA修飾化 (例えば、メチル化) 分析用DNAアレイの製造方法を開示する。

WO 2005/080565 A1